

Arş. Gör. ALPEREN DALKIRAN

Kişisel Bilgiler

İş Telefonu: [+90 312 210 5538](tel:+903122105538)

E-posta: alperend@metu.edu.tr

Web: <https://avesis.metu.edu.tr/alperend>

Uluslararası Araştırmacı ID'leri

ScholarID: [ulvMWmsAAAAJ](https://scholar.google.com/citations?user=ulvMWmsAAAAJ)

ORCID: [0000-0002-4243-7281](https://orcid.org/0000-0002-4243-7281)

Publons / Web Of Science ResearcherID: [ABA-3686-2020](https://publons.com/author/aba-3686-2020)

ScopusID: [57203936618](https://scopus.com/authid/detail.uri?authorId=57203936618)

Yoksis Araştırmacı ID: [215325](https://yoksis.metu.edu.tr/215325)

Eğitim Bilgileri

Lisans, Kto Karatay Üniversitesi, Mühendislik Fakültesi, Bilgisayar Mühendisliği Bölümü, Türkiye 2010 - 2014

Araştırma Alanları

Bilgisayar Öğrenimi, Sinirsel Ağlar

Akademik Unvanlar / Görevler

Araştırma Görevlisi, Adana Alparslan Türkeş Bilim Ve Teknoloji Üniversitesi, Mühendislik Ve Doğa Bilimleri Fakültesi, Bilgisayar Mühendisliği Bölümü, 2014 - Devam Ediyor

SCI, SSCI ve AHCI İndekslerine Giren Dergilerde Yayınlanan Makaleler

- Transfer learning for drug–target interaction prediction**
Dalkıran A., Atakan A., Rifaiođlu A. S., Martin M. J., Çetin Atalay R., Acar A. C., Dođan T., Atalay M. V.
Bioinformatics, cilt.39, ss.103-110, 2023 (SCI-Expanded)
- The CAFA challenge reports improved protein function prediction and new functional annotations for hundreds of genes through experimental screens**
Zhou N., Jiang Y., Bergquist T., Lee A., Kacsoh B., Crocker A., Lewis K., Georghiou G., Nguyen H., Hamid M., et al.
GENOME BIOLOGY, cilt.20, sa.1, 2019 (SCI-Expanded)
- ECPred: a tool for the prediction of the enzymatic functions of protein sequences based on the EC nomenclature**
Dalkıran A., Rifaiođlu A. S., Martin M. J., Cetin-Atalay R., Atalay M. V., Dogan T.
BMC BIOINFORMATICS, cilt.19, 2018 (SCI-Expanded)

Desteklenen Projeler

ATALAY M. V., ATALAY R., DALKIRAN A., RİFAİOĐLU A. S., Yükseköğretim Kurumları Destekli Proje, Protein İşlevlerinin

Metrikler

Yayın: 3

Atıf (WoS): 303

Atıf (Scopus): 341

H-İndeks (WoS): 3

H-İndeks (Scopus): 3